



Einladung

7. Tagung der Sektion „Forstgenetik/Forstpflanzenzüchtung“ im DVFFA

Sehr geehrte Damen und Herren, liebe Kolleginnen und Kollegen,

hiermit laden wir Sie herzlich zur

7. Tagung der Sektion Forstgenetik / Forstpflanzenzüchtung im DVFFA
vom **12. bis 14. September 2022** nach Ahrensburg ein.

Das Thema der Tagung, eine Gemeinschaftsveranstaltung der Sektion Forstgenetik / Forstpflanzenzüchtung im DVFFA und der Deutschen Dendrologischen Gesellschaft, lautet

„Beiträge von Forstpflanzenzüchtung und Forstgenetik für den Wald von Morgen“.

Die Resonanz auf den Aufruf zum Einreichen von Beiträgen war überwältigend. Es sind 52 Beiträge angemeldet worden, die alle in das Programm aufgenommen wurden. Die Auswirkungen des Klimawandels stellen Waldbesitzer und -bewirtschafter in weiten Teilen Deutschlands vor Herausforderungen. Mit der Veranstaltung versuchen wir auf einige der anstehenden Fragen eine Antwort zu geben und neue Ansätze der Forschung zu vermitteln. Wie in den vorangegangenen Tagungen wollen wir aktuelle Ergebnisse und laufende Vorhaben einem breiten Interessentenkreis zugänglich machen. Die Beiträge sollen auch wieder in einem Tagungsband veröffentlicht werden.

Die Vortragsveranstaltung beginnt am Montagmittag und endet am Mittwochmittag. Am Mittwochnachmittag wird eine Exkursion angeboten.

Wir hoffen, dass das aktuelle Thema auf große Resonanz stößt. Die Veranstaltung richtet sich an alle, die an dem Thema interessiert sind. Bitte geben Sie diese Einladung und die weiteren Informationen auch an interessierte Kolleginnen und Kollegen weiter. Besuchen Sie auch unsere Internetseite <https://ddg-web.de/preview.php/eventreader/ahrensburg-tagung.html>. Wir freuen uns auf eine zahlreiche Teilnahme.

Anmeldeschluss: 31. Juli 2022

Mit freundlichen Grüßen
i.A. Dr. Mirko Liesebach und Ute Tröber
(Sektionsleitung)

Kontakt:

Dr. Mirko Liesebach, Thünen-Institut für Forstgenetik, Sieker Landstr. 2, 22927 Großhansdorf,
Tel.: +49 (0) 4102 696156, E-Mail: mirko.liesebach@thuenen.de



TAGUNGSGEBÜHR

Die **Tagungsgebühr** beträgt **85,00 €**. Darin enthalten sind Raummiete, Technik, Mittagsimbiss am 12.9., 13.9. und 14.9., Kaffeepausen am 12.9., 13.9. (2x) und 14.9.

Exkursion am Mittwoch (Bus) **20,00 €**. Die Teilnehmerzahl für die Exkursion ist auf 40 beschränkt (Reihenfolge der Anmeldung).

Die Tagungsgebühr und ggf. Exkursionsgebühr überweisen Sie bitte **bis zum 31. Juli 2022** auf folgendes Konto. Eine vollständige Anmeldung liegt erst mit der Überweisung vor.

Empfänger: Deutsche Dendrologische Gesellschaft
IBAN: 91 5001 0060 0111 9056 00
BIC: PBNK DEFF XXX (Postbank Frankfurt)
Verwendungszweck: **Sektion 2022 / <Vorname Name>**

TAGUNGSORT

Peter-Rantzau-Haus
Manfred-Samusch-Str. 9
22926 Ahrensburg

(450 m vom Bhf. Ahrensburg, Anbindung von Hamburg Hbf mit der RB 81)

UNTERKUNFT

Die Corona-Pandemie hat auch Auswirkungen auf das Hotelgewerbe. Daher ist nicht möglich, die Teilnehmenden in einem Hotel unterzubringen. In folgenden Hotels ist ein Zimmerkontingent („Genetik-Tagung“) reserviert.

Hotel am Schloss, Am Alten Markt 17, 22926 Ahrensburg (0,7 km) info@hotel-am-schloss.de

Ringhotel-Ahrensburg, Ahrensfelder Weg 48-50, 22926 Ahrensburg (1,7 km) info@ringhotel-ahrensburg.de

Auswahl weiterer Hotels (ohne reserviertes Zimmerkontingent):

Hotel Altes Landhaus, Hamburger Landstr. 190, 22926 Ahrensburg, (2,4 km) info@hotel-altes-landhaus.de

Hotel Alte Schule, Hauptstraße 44, 22962 Siek (6,8 km) info@alte-schule-siek.de

Hotel Miranda, Hauptstraße 1, 22962 Siek (5,6 km) info@hotel-miranda.eu

Forsthaus Seebergen, Seebergen 9-15, 22952 Lütjensee (13,9 km) info@forsthaus-seebergen.de

Landhaus Schäfer, Grönwohlder Str. 1, 22952 Lütjensee (13,7 km) kontakt@landhaus-schaefer.de

Zur Fischerklause, Am See 1, 22952 Lütjensee (13 km) info@fischerklause-luetjensee.de

Hotel eggers, Rahlstedter Str. 78, 22149 Hamburg (13 km, RB) info@eggers.de

Signature East Hotel Falk, Apostelweg 15, 22143 Hamburg (13 km, RB) info@signature-hotels.com

Olé Restaurant/Hotel, Schweriner Str. 23, 22143 Hamburg (12 km, RB) mail@ole-hamburg.de

Hotel zur Windmühle, Hauptstraße 99, 22145 Stapelfeld (13,8 km) kontakt@hotel-zur-windmuehle.de



7. Sektionstagung Forstgenetik/Forstpflanzenzüchtung

„Beiträge von Forstpflanzenzüchtung und Forstgenetik für den Wald von Morgen“

Ahrensburg, 12.-14.09.2022

Programm (Änderungen vorbehalten)

Montag, 12. Sept. 2022			
Ab 12:00	Registrierung		
<i>Mittagsimbiss</i>			
EG		OG	
13:00-14:20	Methoden	13:00-14:20	Gehölzphysiologie I
14:20-15:00	<i>Kaffeepause</i>		
15:00-17:00	Resistenz	15:00-16:30	Gehölzphysiologie II
17:00-17:30	Geschäftssitzung		
Dienstag, 13. Sept. 2022 EG			
9:00-10:25	Rot-Buche		
10:25-11:05	<i>Kaffeepause</i>		
11:05-12:30	Züchtung		
12:30-14:00	<i>Mittagsimbiss</i>		
14:00-15:15	Differenzierung		
	<i>Kaffeepause</i>		
16:00-17:30	Alternative Baumarten		
Mittwoch, 14. Sept. 2022 EG			
9:00-10:00	Rot-Eiche		
10:00-10:30	<i>Kaffeepause</i>		
10:30-12:00	Forstliches Vermehrungsgut		
12:00-13:30	<i>Mittagsimbiss</i>		
13:30-17:00	Exkursion		



Montag, 12. September 2022

Tagungsraum EG

13:00 Begrüßung, Organisatorisches

Methoden

- 13:05 BRÜGMANN T, ZAHN V, FENDEL A, ZEBBEDIES S, SIEVERS A-J, BECKER D, FLADUNG M
Neue biotechnologische Methoden für Gehölze
- 13:25 ZAHN V, SIEVERS A-J, FLADUNG M, BRUEGMANN T
Etablierung einer stabilen *in vitro* Kultur für *Fagus sylvatica* – Ein erster Schritt hin zur Genom-Editierung in Buchen
- 13:35 REICHE B, BRÜCKNER M, WEBER B, TRÖBER U, HEITKAM T, WOLF H, KRABEL D
Identifizierung von Inter-SINE Amplified Polymorphism Markern in der Filial-Generation gelenkter Kreuzungen von *Populus tremula*
- 13:45 MORGENSTERN K, POLSTER J-U, KRABEL D
Loop-Mediated Isothermal Amplification (LAMP): Eine einfache und kostengünstige Methode zum DNA-basierten Nachweis von phytopathogenen Pilzen in forstlichem Pflanzenmaterial
- 14:55 IRAUSCHEK F, TRUJILLO-MOYA C, GOLESCH G, WEIßENBACHER L, GEORGE J-P, VAN LOO M
Verbesserung der genetischen Ressourcen der Fichte (*Picea abies* Karst.) durch Plusbaumselektion in Schadflächen zur langfristigen Steigerung der Stressresilienz
- 14:05 POLSTER J-U, MORGENSTERN K, REICHE B, SCHÜTZEL P, HUTTER I, KRABEL D
Strukturelle Analyse des pilzlichen Mikrobioms von *Pseudotsuga menziesii* (MIRB.) FRANCO und *Pseudotsuga sinensis* DODE (Poster)
- 14:10 Diskussion

Resistenz

- 15:00 WOLF H, BUBNER B
Das Verbundvorhaben „Genetik und Züchtung (FraxGen)“ im Demonstrationsvorhaben "Erhalt der Gemeinen Esche (FraxForFuture)“
- 15:20 SEIDEL H, ŠEHO M, FUSSI B
Teilresistente Eschen zeigen nach Jahren hohen Infektionsdrucks kaum Symptome des Eschentriebsterbens
- 15:30 FLADUNG M, SINGEWAR K
Mit RNA-Interferenz (RNAi) gegen Krankheitserreger und Schadinsekten?
- 15:45 ORGEL F, KERSTEN B, SCHRÖDER H
Unterscheidet die Eiche zwischen Spezialisten und Generalisten? Genexpression ausgewählter Kandidatengene in S- und T-Eichen
- 16:00 SCHRÖDER H, MADER M, NOSENKO T, SCHNITZLER J-P, KERSTEN B
Anpassung von Eichen an biotischen und abiotischen Stress im Rahmen des Klimawandels
- 16:15 SCHILDBACH M, HOFMANN M
Hybridpappeln im Klimawandel – Ergebnisse der Pappelklonprüfungen des Projekts FastWOOD unter besonderer Betrachtung der Trockenheit der letzten Jahre
- 16:25 Diskussion



Tagungsraum OG

13:00 Begrüßung, Organisatorisches

Gehölzphysiologie (I)

- 13:05 EILZER F, WINKLER L, WOLF H
Untersuchungen zur Trockentoleranz von Erntebeständen der Baumarten Rot-Buche, Gemeine Fichte und Weiß-Tanne sowie deren Nachkommenschaften mit unterschiedlichen Methoden im Projekt sensFORclim
- 13:20 JANSEN S, PELIN AP, ARAVANOPOULOS FA, ÇİFTÇİ A, DEĞİRMENCI FÖ, DUYAR K, İDMAN ÖM, KANSU C, KAYA Z, KLEINSCHMIT J, LEIGH DM, LYROU FG, RELLSTAB C, SEMIZER-CUMING D, TOURVAS N, NEOPHYTOU C
Genetische Anpassung von drei heimischen Eichenarten an Trockenstress. Erste Ergebnisse aus dem BiodivERsA Projekt ACORN
- 13:35 MEYER M, MORGENSTERN K, KOVAČ B, KRABEL D
Charakterisierung des frühen Wurzel- und Sprosswachstums von Pappelsorten für das EU Innovations-Projekt der Bio-Ökonomie Dendromass4Europe
- 13:50 LIESEBACH H, BÄUCKER C
Phenotyping mit Chlorophyll-Fluoreszenzmessung
- 14:05 Diskussion
- 14:20 Pause, Poster

Gehölzphysiologie (II)

- 15:00 KÄTZEL R, LIESEBACH M, BECKER F, LÖFFLER S
Zur physiologischen Differenzierung der Rot-Buche am Beispiel einer Fläche des "Internationalen Herkunftsversuches 1996/98" im Fläming
- 15:15 HOHENWARTER L, LÖFFLER S, KÄTZEL R
Biochemische Stressreaktionen und differenzielle Transkriptionsanalysen bei Lindenklonen unter Trockenwassermangel"
- 15:30 TRUJILLO-MOYA C, OLSSON S, MOTTINGER-KROUPA S, HALMSCHLAGER E, ERTL R, GAILING O, VORNAM B, GEORGE J-P, VAN LOO M
Das Transkriptom von *Pinus nigra* unter dem Einfluss von *Sphaeropsis sapinea*
- 15:45 FENDEL A, FLADUNG M, BRÜGMANN T
Steigerung der Trockenstresstoleranz in Bäumen durch genetische Modifikationen
- 16:00 WOLF H, LANGE C, OTT B
Reaktion ausgewählter Vogelkirschen-Klone aus In-vitro-Vermehrung auf Trockenheit (Poster)
- 16:05 SCHRÖDER J, DÜMATZ C, KÄTZEL R, KÖRNER M
Site matters: Differences in tree-species adaptability as a function of climate, soil and genetics (Poster)
- 16:10 Diskussion



Dienstag, 13. September 2022 (Tagungsraum EG)

Rot-Buche

- 9:00 DI FABIO A, KREYLING J
Phenotypic plasticity and genetics in the adaptation of forest trees to climate change: results from large-scale provenance trials
- 9:15 LIEPE K, LIESEBACH M
Innerartliche Variation in Wachstum und Qualität der Rot-Buche in einem 25 Jahre alten Herkunftsversuch
- 9:30 MÜLLER M, LEUSCHNER C, WEITHMANN G, WEIGEL R, BANZRAGCH B-E, STEINER W, HOFMANN M, SCHMIDT D, GAILING O
Analyse der Umwelanpassung der Rotbuche basierend auf genomweiter genetischer Variation
- 9:45 DEGEN B, MÜLLER N
Produktion von höherwertigem Saatgut in Buchenbeständen mit Hilfe von Genomanalysen
- 10:00 THIESEN F, BUBNER B
Projektvorstellung: Produktion in-vitro vermehrter Klone als Werkzeuge für Züchtungsprogramme und Resistenzforschung mit Buchen (*Fagus sylvatica* L.) (Poster)
- 10:05 Diskussion
- 10:25 Pause

Züchtung

- 11:00 HÖLTKEN A M, FEHRENTZ S
Hybridisierung und genetische Introgression: Bedeutung für Waldbau, Forstpflanzenzüchtung und Naturschutz
- 11:20 SCHNECK V
40 Jahre Nachkommenschaftsprüfungen bei Wald-Kiefer
- 11:40 EISOLD A-M E, BÄUCKER C, LIESEBACH H, SCHNECK V
Vermehrung und genetische Charakterisierung von Werthölzern
- 11:50 VOLMER K, MÜHLBAUER M, HOFMANN M
Trauben-Eichensaatgut für den Wald von morgen – OakZones eine Projektvorstellung
- 11:00 WOLF H
Ergebnisse der Hybridlärchen-Züchtung der letzten 10 Jahren – von der Petrischale in das Sägewerk
- 12:10 Diskussion
- 12:30 Mittagspause

Differenzierung

- 14:00 BLANC-JOLIVET C, DEGEN B
Genetische Identifizierung von ortsfremden Fichten- und Buchenbeständen
- 14:20 DEGEN B, BLANC-JOLIVET C, SCHRÖDER H, MADER M
Genetische Identifizierung von ortsfremden Stiel- und Traubeneichen
- 14:30 NEOPHYTOU C, SEMIZER-CUMING D, FUSSI B, MICHIELS H-G
Reliktstandorte als Saatgutquellen für klimaresistente Eichenwälder der Zukunft
- 14:40 BUDDE K B, MÜLLER M, HÖTZEL S, GAILING O
Hybridisierung und anpassungsrelevante Differenzierung von *Fagus sylvatica* und *Fagus orientalis*
- 14:50 ASPALTER S
Local adaptation of European tree species – a qualitative review (Poster)
- 14:55 Diskussion
- 15:15 Pause

Alternative Baumarten

- 16:00 SCHIRMER R, TUBES M, HUBER G
Schwarzkiefer – Alternativbaumart im Klimawandel: Entwicklung des süddeutschen Herkunftsversuchs nach 12 Jahren
- 16:10 HARDTKE A, CARÉ O, RUBIN S, STEINER W, LEINEMANN L, GAILING O
Wuchsleistung und genetische Variation unterschiedlicher Küstentannenherkünfte
- 16:20 QUEGWER J, TRÖBER U, PROFT A, REIM S, HÖFER M
Überführung von Sämlingssamenplantagen als Beitrag zur Erhaltung des Wild-Apfels (*Malus sylvestris* (L.) Mill.) im Osterzgebirge
- 16:30 BÄUCKER C, LIESEBACH H, LIESEBACH M
Das Potential des Spitz-Ahorns besser nutzen: Einblicke in die Pflanzenanzucht für die Anlage von Feldversuchen
- 16:40 BECK W, CARÉ O, ZANDER M, METTENDORF M, VOTH W, ULRICHS C
Neue Juglans-Hybriden für die Forstwirtschaft, erste Ergebnisse
- 16:50 MITTELBERG H, LIEPE K, LIESEBACH M, LIESEBACH H
Hainbuche – eine Alternativbaumart im Klimawandel?
- 17:00 ŠEHO M, KAVALIAUSKAS D, RAU B, JANŖEN A, FUSSI B
Bewertung der Anpassungsfähigkeit und Verbesserung der Erntebasis für die Baumarten Spitzahorn, Hainbuche und Sommerlinde auf genetischer Grundlage (Poster)
- 17:05 Diskussion

Mittwoch, 14. September 2022 (Tagungsraum EG)

Rot-Eiche

- 9:00 RIVERA EA, CAO H, NEOPHYTOU C, GAILING O, LAMPRECHT N, FEUSSNER I, KÄTZEL R, LIESEBACH M, TÖPPE M, TRÖBER U
Roteiche im Klimawandel: Grundlagen zur Züchtung unter Berücksichtigung der Trockenstresstoleranz
- 9:15 KORMANN J, LIEPE K, LIESEBACH M
Analyse von Genotyp-Umwelt-Interaktionen der Roteiche (*Quercus rubra* L.) in einer Herkunftsversuchsserie in Deutschland
- 9:30 SAADAIN S, KLUMPP R, NEOPHYTOU C
Genetisches Anpassungspotential der Roteiche (*Quercus rubra*) in Europa
- 9:45 TÖPPE M, HOFMANN M, WATERMEIER M
Einleitung eines Züchtungsprogramms für die Roteiche (*Quercus rubra* L.) (Poster)
- 9:50 Diskussion
- 10:00 Pause

Forstliches Vermehrungsgut

- 10:30 EUSEMANN P, LIESEBACH H
Leistung, Qualität und Anpassungsfähigkeit – Wie kann die Bewirtschaftung von Saatgutbeständen den komplexen Anforderungen an forstliches Vermehrungsgut gerecht werden?
- 10:50 JANßEN A
Von der Vergangenheit in die Zukunft: Verwendungsempfehlungen Bayern
- 11:05 CREMER E, KONNERT M, LUDWIG A, WEZEL G
Forstgenetik trifft Forstpraxis: Erfahrungen und Ausblick aus „20 Jahre ZüF“
- 11:20 LIESEBACH M, SCHNECK D
Herkunftsangaben bei alternativen Baumarten im Klimawandel möglich!
- 11:35 KAVALIAUSKAS D, FUSSI B, RAU B, JANßEN A, ŠEHO M
Erarbeitung von Herkunftsempfehlungen und Verbesserung der Erntebasis für die seltenen Baumarten Feldahorn), Flatterulme, Speierling und Eibe in Bayern auf genetischer Grundlage (Poster)
- 11:40 Diskussion
- 12:00 Mittag

Exkursion

- 13:30 Abfahrt mit dem Bus
60-jähriger Bestand (ehemaliger Herkunftsversuch) mit *Betula maximowicziana*
Fahrt
streifenförmige Kurzumtriebsplantage (Nachkommenschaftsprüfung mit Pappeln der Sektion *Populus*), die in ein silvopastorales Nutzungssystem (mit Hühnern und Kälbern) überführt wird
- 17:00 Ankunft in Ahrensburg